

聚合酶链反应技术快速检测载脂蛋白 B

3'端可变数串联重复位点多态性

李昌龙 王 抒 国汉帮 蒋 雷 夏永静 李健斋

(卫生部北京老年医学研究所 北京医院, 100730)

载脂蛋白 B 在低密度脂蛋白中的水平与动脉粥样硬化有明显的相关关系。载脂蛋白 B 的基因序列及 cDNA 序列已全部克隆完成。载脂蛋白 B 基因全长约 42 kb, 位于第二号染色体的短臂。利用 Msp I、EcoRV, Hind III 等内切酶和载脂蛋白 B cDNA 3'端片段作为探针进行 Southern 杂交分析用于检测载脂蛋白 B 3'端高可变区的等位基因变异, 但难于明确每一条特异等位基因的定位, 因为较大的酶切片段长度还有细微的差异。我们采用聚合酶链反应技术能够快速扩增载脂蛋白 B 基因 3'端的可变数串联重复位点 (variable number tandemly repeated loci, VN-TRL), 该位点表达了载脂蛋白 B 基因某些片段的多态性, 与动脉粥样硬化的发生发展相关。本报告着重介绍这种检测方法。